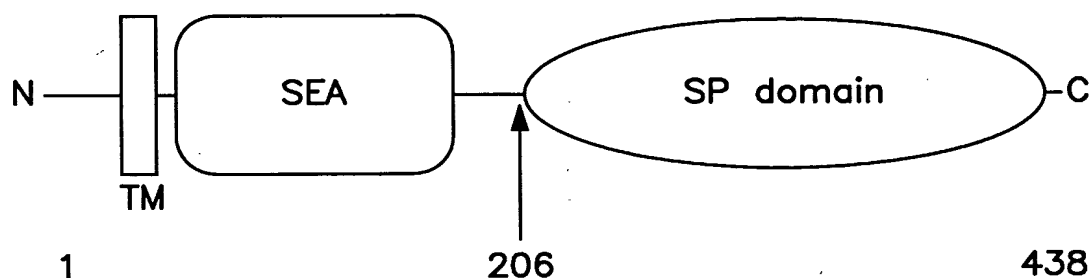


Domain organization and amino acid sequence of MTSP7



10	20	30	40	50	60
MMYTPVEFSEAEFSRAEYQRKQQFWDSVRLALFTLAIVAIIGIAIGIVTHFVVEDDKSFY					
70	80	90	100	110	120
YLASFVNTNIKYKENYGIRSSREFIERSHQIERMMSRIFRHSSVGGRFIKSHVIKLSPE					
130	140	150	160	170	180
QGV DILIVLIFRYPSTDSAEQIKKKIEKALYQSLKTKQLSLTINKPSFRLTPIDSKKMRN					
190	200	210	220	230	240
LLNSRCGIRMTSSNMPLPASSSTQ↓RIVQGRETAMEGEWPWQASLQLIGSGHQCGASLISN					
250	260	270	280	290	300
TWLLTAAHCFWKNKDPTQWIATFGATITPPAVKRNVRKIILHENYHRETNDIALVQLS					
310	320	330	340	350	360
TGVEFSNIVQRVCLPDSSIKLPPKTSVFVTGFGSIVDDGPIQNTLRQARVETISTDVCNR					
370	380	390	400	410	420
KDVDGLITPGMLCAGFMEGKIDACKGDSGGPLVYDNHDIWYIVGIVSWGQSCALPKKPG					
430					
VYTRVTKYRDWIASKTGM*					

↓ = protease cleavage site

FIG. 1

10 20 30 40 50 60
AGATCAGATGGCGACTGAATAGAAAGCTGCCCCAGTCTGGGTTTCATGATGTACACACCTG
TCTAGTCTACCGCTGACTTATCTTCGACGGGGTCAGGACCCAAGTACTACATGTGTGGAC

70 80 90 100 110 120
TTGAATTTTCAGAAGCTGAATTCTCACGAGCTGAATATCAAAGAAAGCAGCAATTTTGGG
AACTTAAAGTCTTCGACTTAAGAGTGCTCGACTTATAGTTTCTTCGTCGTTAAAAACCC

130 140 150 160 170 180
ACTCAGTACGGCTAGCTCTTTTCACATTAGCAATTGTAGCAATCATAGGAATTGCAATTG
TGAGTCATGCCGATCGAGAAAAGTGAATCGTTAACATCGTTAGTATCCTTAACGTTAAC

190 200 210 220 230 240
GTATTGTTACTCATTGTTGTTGAGGATGATAAGTCTTCTATTACCTTGCCCTCTTTTA
CATAACAATGAGTAAAACAACAACCTCTACTATTAGAAAGATAATGGAACGGAGAAAAT

250 260 270 280 290 300
AAGTCACAAATATCAAATATAAAGAAAATTATGGCATAAGATCTTCAAGAGAGTTTATAG
TTCAGTGTTTATAGTTTATATTTCTTTTAATACCGTATTCTAGAAGTTCTCTCAAATATC

310 320 330 340 350 360
AAAGGAGTCATCAGATTGAAAGAATGATGTCTAGGATATTTTCGACATTCTCTGTAGGCG
TTTCTCAGTAGTCTAACTTTCTTACTACAGATCCTATAAAGCTGTAAGAAGACATCCGC

370 380 390 400 410 420
GTGCAATTTATCAAATCTCATGTTATCAAATTAAGTCCAGATGAACAAGGTGTGGATATTC
CAGCTAAATAGTTTAGAGTACAATAGTTTAATTCAGGTCTACTTGTTCCACACCTATAAG

430 440 450 460 470 480
TTATAGTGCTCATATTTTCGATACCCATCTACTGATAGTGCTGAACAAATCAAGAAAAAAA
AATATCACGAGTATAAAGCTATGGGTAGATGACTATCACGACTTGTTTTAGTTCTTTTTTT

490 500 510 520 530 540
TTGAAAAGGCTTTATATCAAAGTTTGAAGACCAACAATGTCTTTGACCATAAACAAC
AACTTTTCGAAATATAGTTTCAAACCTCTGGTTTGTTAACAGAACTGGTATTTGTTTG

550 560 570 580 590 600
CATCATTTAGACTCACACCTATTGACAGCAAAAAGATGAGGAATCTTCTCAACAGTCGCT
GTAGTAAATCTGAGTGTGGATAACTGTCGTTTTTCTACTCCTTAGAAGAGTTGTCAGCGA

610 620 630 640 650 660
GTGGAATAAGGATGACATCTTCAAACATGCCATTACCAGCATCCTCTTCTACTCAAAGAA
CACCTTATTCTACTGTAGAAGTTTGTACGGTAATGGTCGTAGGAGAAGATGAGTTTCTT

670 680 690 700 710 720
TTGTCCAAGGAAGGGAAACAGCTATGGAAGGGGAATGGCCATGGCAGGCCAGCCTCCAGC
AACAGGTTCCCTTCCCTTTGTCGATACCTTCCCTTACCAGTACCGTCCGTCGGAGGTCG

730 740 750 760 770 780
TCATAGGGTCAGGCCATCAGTGTGGAGCCAGCCTCATCAGTAACACATGGCTGCTCACAG
AGTATCCCAGTCCGGTAGTCACACCTCGGTTCGGAGTAGTCATTGTGTACCGACGAGTGTC

790 800 810 820 830 840
CAGCTCACTGCTTTTGGAAAAATAAAGACCCAACTCAATGGATTGCTACTTTTGGTGCAA
GTCGAGTGACGAAAACCTTTTATTTCTGGGTTGAGTTACCTAACGATGAAAACCAGTT

850 860 870 880 890 900
CTATAACACCACCCGAGTGAAACGAAATGTGAGGAAAATTATTCTTCATGAGAATTACC
GATATTGTGGTGGGCGTCACTTTGCTTTACACTCCTTTTAATAAGAAGTACTCTTAATGG

910 920 930 940 950 960
ATAGAGAAACAAATGAAAATGACATTGCTTTGGTTTCAGCTCTCTACTGGAGTTGAGTTT
TATCTCTTTGTTTACTTTTACTGTAACGAAACCAAGTCGAGAGATGACCTCAACTCAAAA

970 980 990 1000 1010 1020
CAAATATAGTCCAGAGAGTTTGCCTCCCAGACTCATCTATAAAGTTGCCACCTAAAACAA
GTTTATATCAGGTCTCTCAAACGGAGGGTCTGAGTAGATATTTCAACGGTGGATTTTGT

1030 1040 1050 1060 1070 1080
GTGTGTTTCGTACAGGATTTGGATCCATTGTAGATGATGGACCTATACAAAATACACTTC
CACACAAGCAGTGTCTAAACCTAGGTAACATCTACTACCTGGATATGTTTTATGTGAAG

1090 1100 1110 1120 1130 1140
GGCAAGCCAGAGTGGAAACCATAAGCACTGATGTGTGTAAACAGAAAGGATGTGTATGATG
CCGTTTCGGTCTCACCTTTGGTATTCGTGACTACACACATTGTCTTTCTACACATACTAC

1150 1160 1170 1180 1190 1200
GCCTGATAACTCCAGGAATGTTATGTGCTGGATTTCATGGAAGGAAAAATAGATGCATGTA
CGGACTATTGAGGTCTTACAATACACGACCTAAGTACCTTCCTTTTATCTACGTACAT

1210 1220 1230 1240 1250 1260
AGGGAGATTCTGGTGGACCTCTGGTTTATGATAATCATGACATCTGGTACATTGTAGGTA
TCCCTCTAAGACCACCTGGAGACCAAATACTATTAGTACTGTAGACCATGTAACATCCAT

1270 1280 1290 1300 1310 1320
TAGTAAGTTGGGGACAATCATGTGCACCTCCCCAAAAACCTGGAGTCTACACCAGAGTAA
ATCATTCAACCCCTGTAGTACACGTGAAGGGTTTTTGGACCTCAGATSTGGTCTCATT

1330 1340 1350 1360 1370 1380
CTAAGTATCGAGATTGGATTGCCTCAAAGACTGGTATGTAGTGTGGATTGTCCATGAGTT
GATTCATAGCTCTAACCTAACGGAGTTTCTGACCATAACATCACACCTAACAGGTACTCAA

1390 1400 1410 1420 1430 1440
ATACACATGGCACACAGAGCTGATACTCCTGCGTATTTTGTATTGTTTAAATTCTTTAC
TATGTGTACCGTGTCTCGACTATGAGGACGCATAAAACATAACAAATTAAGTAAATG

1450 1460 1470 1480 1490 1500
TTTGGATTAGTGCTTTTGTCTAGATGTCAAGAAGCCCTTCAGACCCAGACAAATCTAATAT
AAACCTAATCACGAAAACGATCTACAGTTCTTCGGGAAGTCTGGGTCTGTTTAGATTATA

1510 1520 1530 1540 1550 1560
CCTGAGGTGGCCTTTACATACGTAGGACCAAACCTCTCTACCATGAGGGAAGAAGACAC
GGACTCCACCGAAATGTATGCATCCTGGTTTGGGAGAGATGGTACTCCCTTCTCTGTG

1570 1580 1590 1600 1610 1620
AGCAAATGACAGACAGCACCTATTCTTACTCACAAGGGAACTGCTTGTGATACTTCTCT
TCGTTTACTGTCTGTCTGGATAAGGAATGAGTGTTCCCTTTGACGAACACTATGAAGGA

1630 1640 1650 1660 1670 1680
AATAAGATAAAATAAGTGGTTTCCCTCAATTGAAGACAGGAACATCATTTTCCACAGGATA
TTATTCTATTATTACCAAAGGGAGTTAACTTCTGTCTTGTAGTAAAAGGTGTCTTAT

1690 1700 1710 1720 1730 1740
TGAAGAGCTGCCAGTAATGCCAAAATCTTACCTCATATAATACCTGGAGCATGTGAGATT
ACTTCTCGACGGTCATTACGGTTTTAGAATGGAGTATATTATGGACCTCGTACACTCTAA

1750 1760 1770 1780 1790 1800
CTTCTAGTGAAAAAGAACAGTCTTCCCTGAAGACTCAGGGCTTCAACATTCTAGAACTGA
GAAGATCACTTTTTCTTGTCTCAGAAGGGACTTCTGAGTCCCGAAGTTGTAAGATCTTGACT

1810 1820 1830 1840 1850 1860
TAAGTGGACCTTCAGTGTGCAAGAAATGGAGAAGCATGGGATTTGCATTATGACTTGAAC
ATTACCTGGAAGTCACAGTTCTTACCTCTTCGTACCCTAAACGTAATACTGAACTTGA

1870 1880 1890 1900 1910 1920
GGGCTTATATCTAATAATACAGAGCACTATCACTAACCTCAACAGTTGACATTTTAAAAG
CCCGAATATAGATTATTATGTCTCGTGATAGTGATTGGAGTTGTCAACTGTAAAATTTTC

Title: NUCLEIC ACID MOLECULES ENCODING
TRANSMEMBRANE SERINE PROTEASE 7, THE ENCODED
POLYPEPTIDES AND METHODS BASED THEREON
Applicant: Edwin Madison et al.
Filed: March 13, 2002 Appl. No.: 10/099,700
Examiner: Unassigned Art Unit: Unassigned
Our Docket No.: 24745-1613

```
1930      1940      1950      1960      1970      1980
TTTTTAAATGTATCTGAACTTGCTGTTAACACAGTGTTATAACTCAAGCACTAGCTTCAG
AAAAATTTACATAGACTTGAACGACAATTGTGTCACAATATTGAGTTCGTGATCGAAGTC

1990      2000      2010      2020      2030      2040
GAAGCATGTTGTGTTGTTAAGAGCTTTTCTGATTATTCTTTAACAGCATCTTGCCATC
CTTCGTACAACACAACAATTCTTCGAAAAGACTAAATAAGAAATTGTCGTAGAACGGTAG

2050      2060      2070      2080      2090      2100
TATATGTTAGTAGCAGTTGGCCCAGAAAGGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
ATATACAATCATCGTCAACGGGGTCTTCCTGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT
```